

Häufig nachgewiesene *spa*-Typen bei weitverbreiteten MRSA

Epidemiestämme/Bezeichnung nach Region der Verbreitung	MLST	klonaler Komplex CC	<i>spa</i> -Sequenz-Typ (Typen)
<u>vorrangig in Krankenhäusern:</u>			
süddeutscher Epidemiestamm	ST228	CC5	t001
Rhein-Hessen-Epidemiestamm	ST5	CC5	t002, t045
Epidemiestamm im Großraum Köln (Suptyp des Rhein-Hessen Epidemiestamm)	ST225	CC5	t003
Hannoverscher Epidemiestamm	ST254	CC8	t009
Wiener Epidemiestamm	ST239	CC8	t037, t030
Norddeutscher Epidemiestamm	ST247	CC8	t051
Barnim Epidemiestamm (EMRSA-15 in UK)	ST22	CC22	t032, t022, t005
Berliner Epidemiestamm	ST45	CC45	t004, t038, t065
Epidemiestamm EMRSA-16 in UK	ST36	CC30	t018
<u>community MRSA (<i>lukS-lukF</i>):</u>			
weitverbreiteter Stamm in Europa	ST80	CC80	t044
verbreitet in USA (USA300, USA400)	ST8 ST1	CC8	t008 t175
in Mittel- und Südeuropa	ST5	CC5	t002
in Europa	ST22	CC22	t310
in USA, Südostasien, Europa	ST30	CC30	t019
„Bengal Bay Clone“; indischer Subkontinent	ST772	CC1	t657

MLST = Multi-Locus-Sequenz-Typ